W pliku przyrosty.txt podano średnie dzienne przyrosty (w gramach) świnek-loszek. Świnki pochodziły od różnych ojców. Każdy z ojców ma 5 loszek-córek. Oszacuj odziedziczalność przyrostów.

Analizę wariancji można wykonać w pakiecie R.

dat1 <- read.table( "przyrosty.txt", head=T ) ;

attach( dat1 ) ;

lm( przyrost ~ ojciec ) -> L1 ;

anova( L1 ) ;